

# INTERVENE- STUDIEN

om ärftlig risk  
för bröstcancer



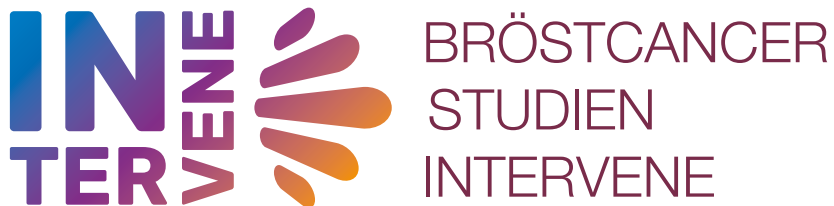
Transforming genomics-based disease prediction

# OM ÄRFTLIG RISK FÖR BRÖSTCANCER

*En nära släkting till dig har bröstcancer. Genetiska test har visat att hennes cancerrisk är ärftlig.*

*Risken beror antingen på en enskild genmutation eller på förhöjd polygen risk. Cancer är inte ärftligt, men risken att insjukna kan vara ärftlig.*

*Mer information om ärftlig bröstcancerrisk (på finska): [terveyskirjasto.fi/dlk01319](https://terveyskirjasto.fi/dlk01319)*



I bröstcancerstudien INTERVENE undersöker vi den polygena riskpoängen som är en ny metod att mäta den ärftliga bröstcancerrisken.

Bröstcancerstudien INTERVENE är öppen för vuxna vars nära släkting antingen har en genmutation eller förhöjd polygen risk som ökar risken för bröstcancer.

Studien omfattar också sedvanlig genetisk rådgivning.

Bröstcancerstudien INTERVENE undersöker enskilda bröstcancermutationer och den polygena risken för bröstcancer.

I vissa fall är det möjligt att kombinera informationen om mutation och polygen risk.

Om du konstateras ha ökad ärftlig risk för bröstcancer kommer vi att rekommendera intensifierad uppföljning i enlighet med nationell vårdpraxis

**Mer information** om Bröstcancerstudien Intervene hittar du i Intervene-studiens informationsblad och på studiens webbplats **intervene.fi**

Delta i den vetenskapliga  
forskningsstudien INTERVENE

som undersöker både enskilda  
genmutationer och polygen risk.

Skicka SMS till  
**040 162 7157**

I vårt svar får du en samtalstid  
till forskningsskötaren.

# ÖVRIG RÅDGIVNING OCH ANALYS

Om en patient har en bröstcancermutation, kan hennes nära släktingar få genetisk rådgivning samt en mutationsanalys om de så önskar. Fråga mer:

**HUS Enhet för klinisk genetik**  
**MÅ–TO kl 9–10**  
**Tfn 09 471 73 310**

Cancer är inte ärftligt, men risken att insjukna kan vara det.

Cancer är en vanlig sjukdom och slumpen kan leda till att flera personer i samma familj insjuknar.

Om flera familjemedlemmar får samma cancersjukdom och sjukdomen bryter ut hos unga personer i familjen kan detta tyda på att cancerrisken är ärftlig.

Ca 5–10 % av bröstcancerfallen beror på att en genmutation förorsakat hög bröstcancerrisk. BRCA1/2 och PALB2 är de mest kända bröstcancer-generna med mutationer som nedärvs dominant.

Mutationsbärarna har en hög risk att insjukna. Alla som bär på en mutation insjuknar ändå inte.

Intensifierad uppföljning kan erbjudas åt de personer som bär på en ärftlig genmutation och/eller polygena riskfaktorer som ökar risken för cancer. Ibland beaktar man också de genetiska riskfaktorerna vid valet av bröstcancerbehandlingen.